

Leistungsspektrum Tumorzytogenetik:

Karyotypanalyse und FISH-Analysen bei hämatologischen Systemerkrankungen

Konventionelle Chromosomenanalyse	routinemäßig	auffälliger Karyotyp/ wenn gewünscht	Dauer [Tage]
Karyotypbestimmung nach GTG-Bänderung, bei Bedarf C-Bänderung, NOR-Färbung	X	X	7-14

Chromosom	FISH Analyse zum Nachweis spezifischer Chromosomen- bzw. Gen-Veränderungen	routinemäßig bei	auffälliger Karyotyp/ wenn gewünscht	Dauer [Tage]
	Aneuploidien (für alle Chromosomen möglich)	X (CLL: +12)	X	4-14
	Chimerismusanalyse nach gegengeschlechtlicher Transplantation (X/Y – Sonden)	X		4-14
	Identifizierung von Markerchromosomen [Einfarben- bis 24-Farben-FISH, Subcen-Mix, Multicolor-Bänderung (MCB)]		X	4-14
1	Translokation (1;19)(q23;p13.3) ; Genkolokalisation TCF3 / PBX1		X	4-14
	1p32-Verlust / 1q21-Zugewinn		X	4-14
3	Inversion (3)(q21q26); Translokation (3;3)(q21;q26)		X	4-14
	Deletion (3)(q27); BCL6-Gen		X	4-14
4	Deletion/Translokation 4q12; FIP1L1-CHIC2-PDGFRB		X	4-14
5	Translokation 5q33; PDGFRB		X	4-14
	Deletion 5q31 (EGR1)		X	4-14
6	Deletion 6q21 (SEC63)		X	4-14
7	Deletion 7q31 (D7S486)		X	4-14
8	Translokation (8;21)(q22;q22); Genkolokalisation RUNX1 / RUNX1T1		X	4-14
	Amplifikation / Translokation 8q24 (c-MYC)		X	4-14
	8p12 ; FGFR1-Rearrangements		X	4-14
9	Translokation t(9;22); Genkolokalisation BCR / ABL	X (CML)	X	4-14

Chromosom	FISH Analyse zum Nachweis spezifischer Chromosomen- bzw. Gen-Veränderungen	routinemäßig bei	auffälliger Karyotyp/ wenn gewünscht	Dauer [Tage]
	Deletion 9q34 bei t(9;22)		X	4-14
	Deletion 9p21 (p16)/ Deletion 9q21		X	4-14
11	Genrearrangements oder numerische Veränderungen des MLL-Gens (11q23)		X	4-14
	Translokation (4;11)(q21-22;q23); Genkolokalisation MLL / AFF1		X	4-14
	Verlust des ATM-Gens (11q22.3)	X (CLL)	X	4-14
	Amplifikation von CCND1/Cyclin D1 (11q13) / Translokation (11;?)(11q13;?)		X	4-14
	Translokation (11;18)(q21;q21); Genkolokalisation API2 / MALT1		X	4-14
12	Deletion 12p13 ; ETV6(TEL)		X	4-14
	Translokation (12;21)(p13;q22); Genkolokalisation ETV6 / RUNX1 (TEL / AML1)		X	4-14
13	Deletion 13q14 (RB1-Gen + D13S319)	X (CLL, MM)	X	4-14
14	14q32 Rearrangements; IGH Gensplitting	X (CLL)	X	4-14
	Translokation (4;14)(p16;q32); Genkolokalisation IGH / FGFR3	X (MM)	X	4-14
	Translokation (8;14)(q24;q32); Genkolokalisation IGH / MYC		X	4-14
	Translokation (11;14)(q13;q32); Genkolokalisation IGH / CCND1	X (MM)	X	4-14
	Translokation (14;18)(q32;q21); Genkolokalisation IGH / BCL2		X	4-14
15	Translokation (15;17)(q22;q21), Genkolokalisation PML / RARA bzw. RARA-Gensplitting		X	4-14
16	Inversion (16) oder Translokation (16;16); CBFB-Gensplitting		X	4-14
17	Deletion 17p13 (p53-Gen)	X (CLL, MM)	X	4-14

Chromosom	FISH Analyse zum Nachweis spezifischer Chromosomen- bzw. Gen-Veränderungen	routinemäßig bei	auffälliger Karyotyp/ wenn gewünscht	Dauer [Tage]
20	Deletion 20q12 (D20S108/PTPRT)		X	4-14
22	Translokation (EWSR1); t(?;22)(?;q12.2)		X	4-14

Material:

Blut: 5 - 10 ml (Heparin)

Knochenmarkaspirat: 2 - 5 ml (Heparin)

4 Knochenmarkausstriche bei Verdacht auf Plasmozytom / Multiples Myelom (MM), ungefärbt, Plasmazellzahl von mind. 10% für FISH-Analysen erforderlich